ANEXO

Referencia proyecto: SA0075P20_(1)
Título Proyecto: BÚSQUEDA DE NUEVOS BIOMARCADORES MOLECULARES PARA LA DETECCIÓN DE LA EPILECTOGÉNESIS.

Fecha de Publicación convocatoria: 02/12/2020

Fin de Plazo de presentación de solicitudes: 17/12/2020

Entidad financiadora: Junta de Castilla y León, cofinanciación con Fondos FEDER.

Categoría: Investigador/a Posdoctoral.

Jornada semanal: 37.5 horas

Horario: Lunes - Jueves: 9-14 y 16-18,30 Viernes: 8-15,30

Modalidad de Contrato: *"Contrato Temporal de Acceso al Sistema Español de Ciencia, Tecnología e Innovación"*

Número de contratos: 1

Retribución anual: 12 pagas de 2.536,78 € mensuales.

Lugar de trabajo: Universidad de Salamanca

Centro, departamento o Instituto: Instituto de Neurociencias de Castilla y León

Fecha prevista de inicio de contrato: 01/02/2021

Fecha prevista de fin de contrato: 31/01/2023

Comisión de Selección:
Presidente: Vicerrector/@ de investigación o persona en quien delegue
Vocal 1: (IP del proyecto) María Dolores Estilita López García
Vocal 2: Ricardo Gómez Nieto
Secretaria: Consuelo Sancho Sánchez

Objeto del Contrato: Liderar y realizar los experimentos planteados en el proyecto SA0075P20 asumiendo las tareas de:

a) Transformar los datos provenientes de técnicas experimentales (principalmente ómicas: genómica, proteómica, metabolómica, etc.)

b) Mantenerse actualizado con la literatura científica en el campo, adaptar los protocolos experimentales existentes para probar nuevas hipótesis a través del análisis de datos científicos de una variedad de fuentes, revisando y refinando hipótesis de trabajo según corresponda.

c) Participar en la planificación y diseño de los experimentos, asesorando sobre las posibilidades y beneficios de la aplicación de técnicas de bioinformática

d) Realizar análisis de transcriptómica, identificando las rutas biológicas afectadas, las interacciones moleculares y las interacciones de los genes desregulados, entre otros análisis.

e) Estudiar las consecuencias de los cambios combinados de los niveles de expresión génica y / o mutaciones genómicas en el contexto de las vías de señalización.

f) Diseñar los experimentos de edición genómica.

g) Participar y presentar datos en reuniones de grupos de laboratorio, series de seminarios internos y en reuniones / seminarios externos (incluidos los internacionales). Ayudar en la preparación de informes científicos y artículos de revistas.

Requisitos específicos:

1. Titulación: Doctorado en Bioinformática, Biología Molecular, Biología Celular, Genética o en otro campo relacionado con la Biología Molecular.

2. Otros:

2.1 Licenciatura o Grado en Biología, Farmacia, Bioquímica, Biomedicina, Biotecnología, Química, Veterinaria o Ingeniería Informática.

2.2 Experiencia en el análisis bioinformático de datos de secuenciación masiva o transcriptómica usando programación en R.

2.3 Buenas habilidades de comunicación en inglés (acreditación B1 de inglés o estancias en el extranjero).

Documentación a presentar:

- Fotocopia del DNI o documento equivalente en el caso de extranjeros.

- Copia del título de Doctor o de la certificación académica, donde figure indicación expresa de la fecha en la que se obtuvo el grado de Doctor.

- Currículum Vitae completo que recoja los apartados indicados en los Méritos Curriculares y Experiencia.

- Resumen y enlaces web de las aportaciones científicas que el candidato considere más relevantes (hasta un máximo de cinco).

Méritos y valoración de los mismos:

La Comisión de selección valorará los méritos siguientes, acreditados documentalmente

1. Méritos Curriculares Académicos y Científicos del Candidato (50% - 50 puntos sobre 100)
   Expediente académico de grado: 10 puntos
   Publicaciones en el área de bionformática: 20 puntos
   Cursos de bioinformática y de genómica computacional: 10 puntos
   Otros méritos: 5 puntos

2. Experiencia en Técnicas, Experiencias Laborales y Conocimientos relacionados con el Perfil de la Plaza (30% / 30 puntos sobre 100)
   a) Experiencia en análisis de secuenciación masiva, transcriptómica y conectómica.**15 puntos**
   b) Experiencia en el manejo de programas y bases de datos como IPA, (KEGG, GenMAPP, OMIN), hipatia o similares-**10 puntos**
   c) Experiencia en manejo de software estadísticos (SPSS, Excel, Prisma…). **5 puntos**
   d) Experiencia demostrable de los puntos a, b y c a través de publicaciones.

3. Entrevista personal (20% - 20 puntos sobre 100)